

Supplementary file 2: character_matrix

Data matrix for phylogenetic analysis

<i>Apolychrosis</i>	11101	10000	00112	00010	01101
<i>Strophotina</i>	11121	10100	01000	10220	01111
<i>conchitis</i> group	11021	10000	00120	00110	11111
<i>niphastra</i> group	?1?31	1????	?????	?????	?1111
<i>isodelta</i> group	11121	10001	00121	00000	11112
<i>fana</i> group	11121	10001	00120	00000	11112
<i>styraxivora</i> group	11121	10002	00120	00000	11112
<i>homosacta</i> group	11021	12010	10120	00111	01111
<i>tholeraula</i> group	11021	11010	10120	01110	01111
<i>Quasieulia</i>	00110	00000	00000	00010	00000
<i>Eubetia</i>	00010	00000	00110	00010	00001
<i>B. yunkensis</i>	00111	10002	10121	10010	22101
<i>B. araguensis</i>	00111	10002	10121	10010	22102
