

Linee guida 2020 del  
Flusso dati del  
**Piano Nazionale dei Residui**

**20 dicembre 2019**

## Indice

1	Introduzione.....	3
1.1	Storia del documento .....	3
1.2	Obiettivi del documento.....	4
1.3	Definizioni .....	4
1.4	Documenti di riferimento .....	4
2	Informazioni Funzionali relative al Tracciato .....	5
2.1	Il tracciato .....	5
2.2	Assunzioni di Base .....	5
2.3	Tempi e modalità.....	6
3	Descrizione funzionale del Tracciato Record .....	7
3.1	Formato File .....	7
3.2	Tipo di Dati .....	7
3.3	Avvertenze Generali per la Valorizzazione dei campi .....	7
3.4	Descrizione funzionale dei campi .....	8
	Appendice 1: Combinazioni ammesse tra campi.....	18
	Appendice 2: Tracciati XML.....	23
3.5	Controlli, validazione e invio file .....	24
3.6	Esempi di inserimento/cancellazione dei dati. ....	25
3.7	Codici di errore.....	29

## 1 Introduzione

### 1.1 Storia del documento

Versione:	Data:	Sintesi variazioni:
0.23	7 Marzo 2018	Ultima versione beta del documento
1.0	20 Settembre 2018	Prima versione ufficiale del documento
1.1	24 Settembre 2018	Prima revisione a seguito dell'evento 20 e 21 settembre 2018
1.3	16 Ottobre 2018	Modifica della dimensione dei campi C.IT.03 ( <b>provincia</b> ) e C.IT.04 ( <b>citta</b> )
1.3.1	17 ottobre 2018	Modifica del campo <b>actTakenCode</b> e aggiunta della nota 43.
1.3.2	27 novembre 2018	<ul style="list-style-type: none"> <li>Validazione regionale</li> <li>Informazioni di dominio dei Campi <b>CodFisSampHolding</b> e <b>CodFisOwner</b></li> <li>Tolta obbligatorietà per <b>actTakenCode</b></li> <li>Modificata obbligatorietà per <b>resLOQ</b></li> <li>Modificati controlli su <b>anMethType</b></li> </ul>
1.3.3	9 gennaio 2019	<ul style="list-style-type: none"> <li>Modificate le note 12 e 23</li> </ul>
1.3.4	26 febbraio 2019	<ul style="list-style-type: none"> <li>Modifica delle note 13, 14, 31, 42, modifica della nota 24, modifica tabella 5</li> </ul>
1.0	21 maggio 2019	<ul style="list-style-type: none"> <li>Errata corregge versione 26 febbraio 2019</li> <li>Modifica obbligatorietà <b>CodFisSampHolding</b> e <b>CodFisOwner</b></li> <li>Informazioni di dominio campi <b>progLegalRef</b>, <b>evalCode</b> e <b>sampTkAsses</b></li> <li>Modifica controlli su <b>sampInfo.origSampId</b></li> <li>Inserimento campi: <b>sampEventId</b>, <b>labCountry</b>, <b>anMethRefId</b> e <b>resInfo.notSummed</b>, <b>evalInfo_com</b></li> <li>Modifica tabella 5</li> <li>Modifica delle note 6, 8, 9, 10, 11, 13 e 46</li> <li>Eliminazione delle note 15, 16 e 49.</li> </ul>
1.1	28 maggio 2019	<ul style="list-style-type: none"> <li>Modifica delle note da 26 a 31</li> <li>Modifica nella tabella 5 a pag. 23 e la nota esplicativa nel riquadro verde</li> </ul>
1.2	5 giugno 2019	<ul style="list-style-type: none"> <li>Modifica della nota 26</li> </ul>
1.3	18 dicembre 2019	<ul style="list-style-type: none"> <li>Modifica della tabella 3.4: informazioni di dominio del campo <b>progLegalRef</b></li> <li>Modifica delle note 26 e 39</li> <li>Modifica delle tabelle 2 e 5</li> </ul>

## 1.2 Obiettivi del documento

L'obiettivo del documento è fornire agli IIZZSS le specifiche funzionali per la trasmissione al Ministero della Salute dei dati dei controlli ufficiali per il Piano Nazionale dei Residui.

I dati dovranno essere trasmessi in formato XML.

## 1.3 Definizioni

Nella tabella riportata di seguito sono elencati tutti gli acronimi e le definizioni adottate nel presente documento.

Acronimo/Riferimento	Definizione
EFSA	European Food Safety Authority
NSIS	Nuovo Sistema Informativo Sanitario
PNR	Piano Nazionale dei Residui
XML	eXtensible Markup Language
XSD	XML Schema Definition

## 1.4 Documenti di riferimento

Tutta la documentazione è disponibile al seguente link:

<https://zenodo.org/communities/pnr2/>.

## 2 Informazioni Funzionali relative al Tracciato

### 2.1 Il tracciato

È previsto un solo tipo di tracciato per l'invio dei dati dei controlli ufficiali di PNR.

### 2.2 Assunzioni di Base

**1. L'invio dei file deve essere effettuato tramite un tracciato XML.**

L'XML è un insieme di regole per formulare dei file in formato testo che permettono di strutturare i dati. L'XML rende facile la generazione di dati tramite un computer, la lettura dei dati e il controllo sulla struttura in modo che non sia ambigua; è estensibile, indipendente dalla piattaforma e supporta i parametri internazionali e locali. Inoltre è pienamente compatibile con gli standard Unicode.

**2. Per il tracciato XML è fornito il relativo documento XSD di convalida a cui far riferimento; questo consentirà la lettura dei dati secondo uno specifico tracciato.**

L'XSD è il linguaggio che specifica le caratteristiche del tipo di documento attraverso una serie di "regole grammaticali". In particolare definisce l'insieme degli elementi del documento XML, le relazioni gerarchiche tra gli elementi, l'ordine di apparizione nel documento XML e quali elementi e quali attributi sono opzionali o meno.

**3. I file in formato XML, prima dell'invio al sistema, potranno essere compressi nei formati ZIP o GZIP.**

L'invio di file compressi deve rispettare le seguenti regole:

- Il file compresso deve contenere un solo file XML dati al proprio interno (NON è ammessa la presenza, all'interno del file compresso, di cartelle e/o più file).
- I file compressi di tipo ZIP dovranno essere compressi secondo l'algoritmo definito dallo standard "DEFLATE".
- I file compressi di tipo ZIP, dovranno avere l'estensione ".zip". E' indifferente il maiuscolo o minuscolo.
- I file compressi di tipo GZIP, dovranno avere l'estensione ".gz". E' indifferente il maiuscolo o minuscolo.

Qualora il file non rispettasse tali regole verrà restituito un messaggio di errore in fase di upload dello stesso.

Ulteriori assunzioni di base verranno enunciate nella descrizione del tracciato stesso.

## 2.3 Tempi e modalità

### 2.3.1 Invio ed elaborazione dei file

L'invio dei dati PNR relativi all'anno X è consentito dal 1 Marzo dell'anno X a fine Febbraio dell'anno X+1 (Es: l'invio dei dati relativi all'anno 2018 è possibile dal 01/03/2018 fino al 28/02/2019)

L'invio dei file avviene attraverso la funzionalità "invio flussi" del sistema "Gestione Accoglienza Flussi" (GAF).

Gli esiti di elaborazione sono resi disponibili entro circa 4 ore e sono consultabili attraverso la funzionalità "Trasmissione dati > Visualizza Esiti Elaborazione" del "Nuovo PNR". Il Sistema invia una mail di notifica.

### 2.3.2 Validazione regionale

La validazione regionale dei dati relativi all'anno X è consentita fino a fine Febbraio dell'anno X+1.

Non potranno essere validati record non contenenti le informazioni relative ai campi **actTakenCode** e **evalInfo\_conclusion**.

## 3 Descrizione funzionale del Tracciato Record

### 3.1 Formato File

I file da inviare al Ministero della Salute devono essere in formato XML versione 1.0.  
Lo schema XSD del flusso è reso disponibile al seguente link:

<https://zenodo.org/communities/pnr2/>.

I file XML che non rispettano le caratteristiche dello schema XSD saranno scartati dal sistema (esito "XSD non rispettato").

Se i controlli formali e di dominio rilevano record scorretti, il file verrà scartato.

### 3.2 Tipo di Dati

Il tracciato XML sarà formato dai seguenti componenti:

- "ELEMENT" che possono contenere a loro volta altri Element o valori espliciti (non codificati)
- "ELEMENT" con attributi, il cui valore, in genere, appartiene a un insieme già predefinito.

### 3.3 Avvertenze Generali per la Valorizzazione dei campi

Tutti i campi indicati come obbligatori sono vincolanti per il caricamento del record.

I campi data devono essere espressi nel formato YYYY-MM-DD (conforme alle specifiche W3C) dove:

- YYYY rappresenta l'anno
- MM rappresenta il mese
- DD rappresenta il giorno

Esempio: 2005-02-01 corrisponde al 1 febbraio 2005.

I campi decimali prevedono come separatore decimale il punto ".".

Gli eventuali campi opzionali possono non essere trasmessi o trasmessi vuoti (apertura e chiusura ELEMENT)

### 3.4 Descrizione funzionale dei campi

Nella seguente tabella sono descritti i campi contenuti nel tracciato con la seguente legenda:

- **T(L)**: tipo di campo e Lunghezza
- **O**: obbligatorietà (in alcuni casi il campo è obbligatorio solo se un altro campo assume particolari valori, nel caso vi è una nota esplicativa a piè di pagina)

**Si evidenzia che i campi con codice da "F" a "N", con relative obbligatorietà indicate, sono applicabili solo ai campioni idonei e non ai campioni non idonei.**

Campo	Codice campo	Descrizione	Informazioni di dominio	T(L)	O
numVerbale	O.IT.01	Numero del verbale di campionamento		string (20)	SI
regCode	B.IT.01	Identificativo della Regione in cui si effettua il prelievo del campione.	<b>REGIONI</b>	string (3)	SI
flType	B.IT.02	Tipo di flusso dati	Unico valore ammesso: <b>PNR</b>	string (3)	SI
opType	B.IT.03	Codice che identifica il tipo di operazione da effettuare.	Valori ammessi: <b>I</b> - inserimento <b>C</b> - cancellazione	string (1)	SI
sampOrg	B.IT.05	ASL che ha fatto il campionamento	<b>ASL</b>	string (6)	SI
progLegalRef	B.02	Normativa di riferimento per l'analisi effettuata.	<b>LEGREF</b> Unico valore ammesso: N247A	string (5)	SI
sampStrategy	B.03	Strategia utilizzata per il campionamento.	<b>SAMPSTR</b> <sup>1</sup>	string (5)	SI

<sup>1</sup> Valori ammessi: **ST20A** (Piano), **ST90A** (Extrapiano), **ST30A** (Sospetto). Per le combinazioni ammesse tra strategia di campionamento (**sampStrategy**) e tipo piano di campionamento (**tipCamp**) vedi la [Tabella 1](#)



Ministero della Salute  
Direzione Generale per l'Igiene e la Sicurezza degli Alimenti e la Nutrizione

Campo	Codice campo	Descrizione	Informazioni di dominio	T(L)	O
<b>tipCamp</b>	B.IT.04	Tipo di campionamento in riferimento a quanto specificato in PNR.	<b>TIPCAMP</b> <sup>2</sup>	string (1)	SI
<b>progType</b>	B.04	Tipo di programma per cui il campione è stato prelevato.	Unico valore ammesso: <b>K018A</b>	string (5)	SI
<b>sampMethod</b>	B.05	Metodo di campionamento.	<b>SAMPMD</b>	string (5)	SI
<b>sampler</b>	B.06	Autorità che ha effettuato il prelievo.	Unico valore ammesso: <b>CX02A</b>	string (5)	SI
<b>sampPoint</b>	B.07	Punto della filiera in cui il campione è stato prelevato.	<b>SMPNT_VIG</b>	string (10)	SI
<b>progInfo.com</b>	B.08	Informazioni aggiuntive sul programma di campionamento	Testo libero	string (1000)	NO
<b>sampEventId</b>	C.01	Codice identificativo dell'evento di campionamento	Testo libero	string (100)	NO <sup>2bis</sup>
<b>sampUnitType</b>	C.02	Tipo di unità di campionamento	<b>SAMPUNTYP</b> <sup>3</sup>	string (5)	SI
<b>sampUnit.sampHoldingId</b>	C.05.01	Codice aziendale dell'allevamento	Numero di registrazione	string (50)	SI <sup>4</sup>

<sup>2</sup> Le combinazioni ammesse tra strategia di campionamento (**sampStrategy**) e tipo di campionamento (**tipCamp**) sono riportate nella **Tabella 1**.

<sup>2bis</sup>: Codice unico che rappresenta l'unità di campionamento estratta in un certo momento dalla popolazione campionata. Se non valorizzato, sarà compilato automaticamente durante il processo di trasmissione. Può essere utilizzato ad esempio nel caso in cui due organi differenti siano prelevati dallo stesso animale (ai fini del conteggio è comunque considerato 1 animale campionato).

<sup>3</sup> Le combinazioni ammesse tra punto di campionamento (**sampPoint**) e tipo di unità di campionamento (**sampUnitType**) sono riportate in **Tabella 2** - Combinazioni ammesse per punto di campionamento – Tipo punto di campionamento.

<sup>4</sup> Obbligatorio se origCountry = IT e se: B.07 (sampPoint) = MS.040.710 (Allevamento di animali) oppure MS.040.720 (Acquacoltura), oppure MS.060.400 (Distributori di latte crudo).

Ministero della Salute  
Direzione Generale per l'Igiene e la Sicurezza degli Alimenti e la Nutrizione

Campo	Codice campo	Descrizione	Informazioni di dominio	T(L)	O
<b>sampUnit.slaughterHouseId</b>	C.05.02	Codice aziendale del macello	Approval number	string (50)	SI <sup>5</sup>
<b>sampUnit.sampPlantId</b>	C.05.03	Identificativo dell'impianto	Approval number / Numero di registrazione <sup>6</sup>	string (50)	SI <sup>7</sup>
<b>ragSoc</b>	C.IT.01	Ragione Sociale	Testo libero	string (80)	SI <sup>8</sup>
<b>via/piaz</b>	C.IT.02	Indirizzo dell'azienda (via/piazza + numero civico+ cap)	Testo libero	string (80)	SI <sup>9</sup>

<sup>5</sup> Obbligatorio se (**sampPoint**) =

- MS.B10.100 - Ungulati domestici - Macelli - SH *oppure*
- MS.B20.100 - Pollame e lagomorfi - Macello - SH *oppure*
- MS.B30.100 - Selvaggina allevata - Macello – SH *oppure*
- MS.B40.200 - Centro di lavorazione selvaggina-GHE

<sup>6</sup> Solo per Centri di smielatura (**sampPoint**=MS.040.500) e i Centri di raccolta della selvaggina cacciata (**sampPoint**= MS.A50.100) deve essere riportato il numero di registrazione 852/2004

<sup>7</sup> Obbligatorio se B.07(**sampPoint**) =

- MS.040.500 - Centro di smielatura
- MS.BA0.100 - Uova e ovoprodotti Centro di imballaggio-EPC
- MS.BA0.300 - Uova e ovoprodotti Stabilimento di trasformazione -PP
- MS.B80.500 - Prodotti della pesca Impianto di trasformazione-PP
- MS.B90.400 - Stabilimento di trasformazione latte e prodotti a base di latte
- MS.B80.600 Mercato ittico

<sup>8</sup> Obbligatorio se **origCountry** = IT e **sampPoint** = MS.040.500 (Centro di smielatura) oppure se **origCountry** = IT e **sampPoint** =MS.040.720 (Acquacoltura), oppure se **sampPoint**= MS.A50.100 (centro di raccolta della selvaggina cacciata)

<sup>9</sup> Obbligatorio se **origCountry** = IT e **sampPoint** = MS.040.500 (Centro di smielatura) oppure se **origCountry** = IT e **sampPoint** =MS.040.720 (Acquacoltura), oppure se **sampPoint**= MS.A50.100 (centro di raccolta della selvaggina cacciata)

Ministero della Salute  
Direzione Generale per l'Igiene e la Sicurezza degli Alimenti e la Nutrizione

Campo	Codice campo	Descrizione	Informazioni di dominio	T(L)	O
<b>citta</b>	C.IT.04	Città/Comune	<b>comuni</b>	string (10)	SI <sup>10</sup>
<b>Provincia</b>	C.IT.03	Provincia	<b>comuni</b>	string (3)	SI <sup>11</sup>
<b>sampUnit.animalId</b>	C.05.04	Identificativo dell'animale	Numero identificativo dell'animale	string (50)	SI <sup>12</sup>
<b>sampEventInfo.com</b>	C.06.01	Trattamenti medici nei 90 giorni.	Valori ammessi: <b>Y</b> - SI <b>N</b> - NO <b>NA</b> - Non applicabile	string (2)	SI
<b>sampEventInfo.medicStatus</b>	C.06.02	Specialità medicinale utilizzata nei 90 giorni	Testo libero	string (1600)	NO
<b>sampId</b>	D.01	Identificativo del campione prelevato (assegnato dal laboratorio accettante).	<b>Anno + labID + Progressivo campione</b> (es.: 2017_IZSPLV_00001) Anagrafica IIZZSS	string (30)	SI
<b>sampDate</b>	D.06- D.07- D.08	Data di prelievo del campione	Formato: <b>YYYY-MM-DD</b>	date (10)	SI
<b>sampAccDate</b>	D.11.00	Data di accettazione del campione	Formato: <b>YYYY-MM-DD</b>	date (10)	SI
<b>sampInfo.origSampId</b>	D.11.01	Identificativo del campione che ha generato la prima positività	<b>Anno + labID + Progressivo campione</b> (es.: 2017_IZSPLV_00001)	string (30)	SI <sup>13</sup>

<sup>10</sup> Obbligatorio se **origCountry** = IT e **sampPoint** = MS.040.500 (Centro di smielatura) oppure se **origCountry** = IT e **sampPoint** = MS.040.720 (Acquacoltura), oppure se **sampPoint** = MS.A50.100 (centri di raccolta della selvaggina cacciata)

<sup>11</sup> Obbligatorio se **origCountry** = IT e **sampPoint** = MS.040.500 (Centro di smielatura) oppure se **origCountry** = IT e **sampPoint** = MS.040.720 (Acquacoltura), oppure se **sampPoint** = MS.A50.100 (centri di raccolta della selvaggina cacciata)

<sup>12</sup> Obbligatorio per bovini ed equini. Obbligatorio anche per ovicapri con età superiore all'anno. Le obbligatorietà valgono solo se la matrice non è acqua di abbeverata o mangimi oppure latte.

<sup>13</sup> Obbligatorio nel caso di campione sospetto - a seguito di positività (**sampStrategy** = ST30A e **tipCamp** = S).

**sampInfo.origSampId** deve essere già stato comunicato al Ministero (come **sampId**), anche se da regione differente: il valore di **sampInfo.origSampId** del record deve essere uguale a un **sampId** presente, ma diverso dal **sampId** del record stesso. Tale record deve avere **sampTkAsses** = J038A (non compliant).

**Ministero della Salute**  
**Direzione Generale per l'Igiene e la Sicurezza degli Alimenti e la Nutrizione**

<b>Campo</b>	<b>Codice campo</b>	<b>Descrizione</b>	<b>Informazioni di dominio</b>	<b>T(L)</b>	<b>O</b>
<b>origReg</b>	D.IT.01	Regione di origine dell'animale o del prodotto campionato	<b>REGIONI</b>	string(3)	SI <sup>13bis</sup>
<b>codAzAllOrig</b>	D.IT.02	Codice aziendale dell'allevamento di origine	Numero di registrazione	string (30)	SI <sup>14</sup>
<b>CodFisSampHolding</b>	D.IT.03	Codice fiscale o P.I. del detentore/soccidario	String(11) per P.I. o string(16) per C.F.		NO
<b>CodFisOwner</b>	D.IT.04	Codice fiscale o P.I. del proprietario/soccidante	String(11) per P.I. o string(16) per C.F.		NO
<b>sampIdoneo</b>	D.IT.05	Indica se il campione è idoneo ad essere analizzato	Valori ammessi: <b>Y</b> - SI <b>N</b> - NO	string (1)	SI
<b>motivoNonIdoneo</b>	D.IT.06	Indicazione del motivo dell'eventuale non idoneità.	<b>NONIDONEO</b>	string (4)	SI <sup>15</sup>
<b>altroMotivoNonIdoneo</b>	D.IT.07	Indicazione di altro motivo dell'eventuale non idoneità.		string (300)	SI <sup>16</sup>
<b>metodoProduzione</b>	D.IT.08	Metodo di produzione	Valori ammessi: <b>B</b> - Biologico <b>C</b> - Convenzionale <b>S</b> - Sconosciuto	string (1)	SI <sup>17</sup>

<sup>13bis</sup>: se origReg = OUE, allora origCountry ≠ IT; se origReg ≠ OUE, allora origCountry = IT

<sup>14</sup> Obbligatorio se origCountry = IT e nel caso di campioni prelevati in:

- o Macello (**sampPoint** = MS.B10.100 or MS.B20.100 or MS.B30.100)
- o Centro di imballaggio uova (**sampPoint** = MS.BA0.100)
- o Trasformazione ovoprodotti (**sampPoint** = MS.BA0.300)
- o Trasformazione latte e prodotti a base di latte (**sampPoint** = MS.B90.400), ad eccezione dei soli campioni prelevati in Extrapiano
- o Distributori di latte crudo (**sampPoint** = MS.060.400)
- o Mercato ittico (**sampPoint** = MS.B80.600)
- o Centri di smielatura (**sampPoint** = MS.040.500)
- o Impianto di trasformazione prodotti della pesca (**sampPoint** = MS.B80.500).

Per i distributori di latte crudo è prevista la regola che il codice qui riportato debba essere uguale a quello riportato nel campo C.05.01.

<sup>15</sup> Obbligatorio se campione non idoneo

<sup>16</sup> Obbligatorio in caso di "Altro" motivo di non idoneità

<sup>17</sup> Obbligatorio se B.07 (**sampPoint**) = MS.040.710 (Allevamento di animali) MS.040.720 (Acquacoltura)

Ministero della Salute  
Direzione Generale per l'Igiene e la Sicurezza degli Alimenti e la Nutrizione

Campo	Codice campo	Descrizione	Informazioni di dominio	T(L)	O
<b>modalitAllevamento</b>	D.IT.09	Modalità di allevamento	<b>MODALLE</b> <sup>18</sup>	string (4)	SI <sup>19</sup>
<b>sampMatType</b>	E.01	Tipo di matrice campionata	<b>MTXTYP</b>	string (5)	SI
<b>sampMatCode</b>	E.02	Identificativo della matrice campionata	<b>MTX_VMPR_IT</b> <sup>20</sup>	string (45)	SI
<b>sampMatText</b>	E.03	Testo descrittivo della matrice campionata	Testo libero	string (250)	
<b>origCountry</b>	E.04	Paese di origine della matrice o dell'animale campionati	<b>COUNTRY</b>	string (2)	SI
<b>aetate</b>	E.IT.01	Età dell'animale	Valeri ammessi: Vitelli: <b>V1</b> - vitelli minori di 6 mesi <b>V2</b> - vitelli di 6-8 mesi Equini: <b>E1</b> - equini minori di 2 anni <b>E2</b> - equini con più di 2 anni	string (2)	SI <sup>21</sup>
<b>analysisDate</b>	F.03 F.04 F.05	Data di inizio delle analisi	Formato: YYYY-MM-DD	date (10)	SI
<b>sampAn.Info.compDate</b>	F.06.01 F.06.02 F.06.03	Data di completamento delle analisi	Formato: YYYY-MM-DD	date (10)	SI
<b>sampAn.Info.com</b>	F.06.04	Informazioni aggiuntive sul campione analizzato		string (1000)	NO
<b>labId</b>	J.01	Laboratorio che effettua l'accettazione del campione	<b>LABORATORI</b> Valori ammessi: IIZZSS	string (8)	SI
<b>labAnalisi</b>	J.IT.01	Laboratorio che ha effettuato l'analisi del campione	<b>LABORATORI</b>	string(8)	SI

<sup>18</sup> Combinazioni consentite specie/prodotto-modalità di allevamento: vedi **Tabella 3**.

<sup>19</sup> Obbligatorio se B.07 (**sampPoint**) = MS.040.710 (Allevamento di animali) MS.040.720 (Acquacoltura)

<sup>20</sup> Le combinazioni ammesse tra sampPoint e matrice sono riportate nell'anagrafica MTX\_VMPR, colonna D e seguenti

<sup>21</sup> Obbligatorio per vitelli ed equini. Le obbligatorioità valgono solo se la matrice non è acqua di abbeverata, mangimi oppure latte.

Ministero della Salute  
Direzione Generale per l'Igiene e la Sicurezza degli Alimenti e la Nutrizione

Campo	Codice campo	Descrizione	Informazioni di dominio	T(L)	O
<b>labCountry</b>	J.03	Stato in cui è situato il laboratorio che ha effettuato l'analisi	<b>COUNTRY</b>	string (2)	SI
<b>paramType</b>	K.01	Tipologia di parametro	<b>PARTYP</b>	string (5)	SI <sup>22</sup>
<b>paramCode</b>	K.02	Identificativo del parametro analitico ricercato	<b>PARAM_VMPR_IT</b> <sup>23</sup>	string (15)	SI
<b>paramText</b>	K.03	Testo descrittivo del parametro analitico		string (250)	NO
<b>anMethRefId</b>	L.01	Identificativo del metodo analitico	Testo libero	string (50)	SI <sup>24bis</sup>
<b>anMethType</b>	L.03	Tipologia del metodo analitico	<b>ANLYTYP</b> <sup>24</sup>	string (5)	SI
<b>anMethCode</b>	L.04	Codice identificativo del metodo analitico	<b>ANLYMD</b>	string (5)	SI
<b>anMethText</b>	L.05	Testo descrittivo del metodo analitico		string (250)	SI <sup>25</sup>
<b>accredProc</b>	M.02	Procedura di accreditamento del metodo analitico	<b>MDACC</b> Unico valore ammesso: <b>V001A</b>	string (5)	SI

<sup>22</sup> Obbligatorio sempre.

<sup>24bis</sup>. Utilizzato per identificare il metodo usato nel laboratorio, che può essere utilizzato per collegare tutti i risultati ottenuti con lo stesso metodo (più specifico di anlyMd).

<sup>23</sup> Per ogni campione (**sampId**) e per ogni parametro analitico (**paramCode**) può essere indicata una sola tecnica (**anMethCode**) a parità di tipologia di metodo analitico (**anMethType** – Screening/Conferma).

<sup>24</sup> In caso di screening (**anMethType**=AT06A) non può essere **evalCode**=J003A o J041A.

<sup>25</sup> Il campo deve essere valorizzato solo se **anMethCode** = F001A (Classification not possible) oppure **anMethCode** =F500A (Unknown).

Ministero della Salute  
Direzione Generale per l'Igiene e la Sicurezza degli Alimenti e la Nutrizione

Campo	Codice campo	Descrizione	Informazioni di dominio	T(L)	O
<b>resUnit</b>	M.03	Indica l'unità di misura per il valore riportato	<b>UNIT</b>	string (5)	SI <sup>26</sup>
<b>resLOD</b>	M.04	Valore del LOD		double	SI <sup>27</sup>
<b>resLOQ</b>	M.05	Valore del LOQ		double	SI <sup>28</sup>
<b>CCalpha</b>	M.08	Valore del CCalpha		double	SI <sup>29</sup>
<b>CCbeta</b>	M.09	Valore del CCbeta		double	SI <sup>30</sup>
<b>resVal</b>	M.10	Valore del risultato analitico		double	SI <sup>31</sup>
<b>exprResPerc_fatPerc</b>	M.13.F01	Percentuale di grasso nel campione.	Deve contenere un dato numerico.	double <sup>32</sup>	NO

<sup>26</sup> Obbligatorio se almeno un campo tra i seguenti è valorizzato: **resVal**, **resLOD**, **resLOQ**, **CCalpha**, **Ccbeta**. Se **paramCode** non appartiene a contaminanti o pesticidi (cioè se non è incluso in **B2c**, **B3a**, **B3b**, **B3c** o **B3f**), **resUnit** deve essere µg/kg (G050A) o µg /litre (G051A).

Per i singoli congeneri di diossine e PCB dl e per la somma analitica di PCB dl, l'unità di misura deve essere pg/g

Per le somme tossicologiche di diossine e PCB dl l'unità di misura deve essere pg/g o ng/kg

Per singoli congeneri di PCB ndl e loro somma analitica, l'unità di misura deve essere ng/g

<sup>27</sup> Obbligatorio se **resType**=LOD . Se valorizzato deve essere maggiore di zero.

<sup>28</sup> Obbligatorio:

- per i contaminanti e pesticidi (gruppi **B2c**, **B3a**, **B3b**, **B3c**, **B3d** e **B3f**), **Amitraz** e **Fluralaner** oppure
- **resType**=LOQ. oppure
- **anMethType** = **AT08A** (Confirmation), **paramType** = **P002A** (Part of a sum ), **paramcode** è una sostanza farmacologicamente attiva.

Il campo può non essere valorizzato se **resInfo.notSummed** =Y e se **paramType**= P004A, oppure P005A e **paramCode** appartiene ai gruppi **B2c**, **B3a1**, **B3b**. Se valorizzato deve essere compreso tra 0 e VAL (0 < x ≤ VAL).

<sup>29</sup> Obbligatorio per i metodi di conferma (**anMethType** = AT08A) solo per sostanze farmacologicamente attive (**param** non è né contaminante né pesticida, tranne amitraz e fluralaner) e se **paramType** è diverso da P002A. Se valorizzato deve essere maggiore di zero.

<sup>30</sup> Obbligatorio per i metodi di screening (**anMethType** = AT06A) solo per sostanze farmacologicamente attive (**param** non è né contaminante né pesticida). Se valorizzato deve essere maggiore di zero.

<sup>31</sup> Obbligatorio se **resType** = VAL (se valorizzato, deve essere maggiore di zero, ad eccezione dell'approccio Lower Bound)

<sup>32</sup> Se valorizzato deve essere >=0 e <=100.

Ministero della Salute  
Direzione Generale per l'Igiene e la Sicurezza degli Alimenti e la Nutrizione

Campo	Codice campo	Descrizione	Informazioni di dominio	T(L)	O
<b>exprResPerc_moistPerc</b>	M.13.F02	Percentuale di umidità nel campione.	Deve contenere un dato numerico.	double <sup>33</sup>	SI <sup>34</sup>
<b>exprResPerc_alcoholPerc</b>	M.13.F03	Percentuale di alcohol nel campione.	Deve contenere un dato numerico.	double <sup>35</sup>	NO
<b>exprResType</b>	M.14	Espressione del risultato	<b>EXPRRES</b>	string (5)	SI <sup>36</sup>
<b>resQualValue</b>	M.15	Valutazione qualitativa	Valori ammessi: <b>POS</b> - positivo/presenza <b>NEG</b> - negativo/assenza	string (3)	SI <sup>37</sup>
<b>resType</b>	M.16	Tipologia del risultato	<b>VALTYP</b> Valori ammessi: <b>BIN, CCA, CCB, LOD, LOQ, VAL</b>	string (3)	SI
<b>resInfo</b>	M.20	Informazioni aggiuntive sul risultato		string (1000)	NO
<b>resInfo.notSummed</b>	M.20.01	Indica se il LOQ deve essere calcolato nel processo di trasmissione	Valori ammessi: Y/N	string (1)	NO <sup>39bis</sup>
<b>rapProvaDate</b>	M.IT.01	Data dell'emissione del rapporto di prova	Formato: YYYY-MM-DD	Date (10)	SI
<b>evalLowLimit</b>	N.01	Limite utilizzato per la valutazione del risultato		double	SI <sup>38</sup>
<b>evalLimitType</b>	N.03	Tipo di limite utilizzato per la valutazione del risultato	<b>LMTTYP</b>	string (5)	SI <sup>39</sup>

<sup>33</sup> Se valorizzato deve essere >=0 e <=100.

<sup>34</sup> Obbligatorio se **exprResType** = B002A (Dry matter).

<sup>35</sup> Se valorizzato deve essere >=0 e <=100.

<sup>36</sup> Obbligatorio per i contaminanti chimici (diossine e PCB: **B3a2** e **B3a3**; elementi chimici: **B3c**; micotossine: **B3d**)

<sup>37</sup> Obbligatorio se **resType**=BIN, da non valorizzare per i test di conferma (**anMethType** = confirmation)

<sup>39bis</sup> Campo opzionale sempre. Per i soli pesticidi (gruppi **B2c**, **B3a1**, **B3b**), se posto a "Y" e se paramType= P004A oppure P005A il valore di resLOQ può non essere riportato.

Se una delle condizioni precedenti non si verifica, oppure non viene valorizzato il campo, resLOQ è sempre obbligatorio

<sup>38</sup> Obbligatorio per campioni non conformi, a meno che il rilevamento sia sufficiente per indicare un risultato non conforme (obbligatorio solo per i casi in cui **evalcode** = J003A)

<sup>39</sup> Obbligatorio quando **evalCode** (N.04) è diverso da **J040A** (not detected). Obbligatorio quando **evalCode** (N.04) è diverso da **J040A** (not detected) e diverso da **J029A** (Result not evaluated)



Ministero della Salute  
Direzione Generale per l'Igiene e la Sicurezza degli Alimenti e la Nutrizione

Campo	Codice campo	Descrizione	Informazioni di dominio	T(L)	O
<b>evalCode</b>	N.04	Valutazione del parametron analitico	<b>RESEVAL</b> <sup>40</sup>	string (5)	SI <sup>41</sup>
<b>actTakenCode</b>	N.05	Azioni intraprese in caso di non conformità del campione	<b>ACTION</b> per l'azione di follow-up <b>UNIT</b> per l'unità di misura <sup>42</sup>	string(500) <sup>43</sup>	NO
<b>evalInfo_sampTkAsses</b>	N.06.01	Valutazione del campione	<b>RESEVAL</b> <sup>44</sup>	string(5)	SI <sup>45</sup>
<b>evalInfo_conclusion</b>	N.06.02	Informazioni aggiuntive sulla valutazione finale.	<b>CONCLUS</b>	string(4)	SI <sup>46</sup>
<b>evalInfo_com</b>	N.06.03	Commenti aggiuntivi	<b>Testo libero</b>	string (250)	NO

<sup>40</sup> Valori ammessi: **J002A** - Less than or equal to max permissible quantities, **J003A** - Above max permissible quantities, **J031A** - Compliant due to measurement uncertainty, **J040A** - Not detected, **J041A** - Detected, **J029A** - Result not evaluated

Le combinazioni ammesse tra **evalCode** e **evalInfo\_sampTkAsses** sono mostrate in Tabella 5

<sup>41</sup> Se **evalLimitType**= **W002A** (Maximum Residue Level - MRL)', allora deve essere **evalCode** = J002A (Less than or equal to maximum permissible quantities), oppure **evalCode** = J003A (Greater than maximum permissible quantities), oppure **evalCode** = J031A (Compliant due to measurement uncertainty).

Se **evalLimitType** = W012A (Presence), allora deve essere **evalCode** = J040A (Not detected), oppure **evalCode** = J041A (Detected).

<sup>42</sup> In caso di più azioni di follow-up, queste devono essere concatenate utilizzando il carattere \$. La struttura ricorsiva dev'essere del tipo: termCode[\_999n][\_unità di misura]\$. Ad esempio, in caso di: 1) azioni amministrative (**A**); 2) richiesta di ulteriori 3 campioni di follow-up (**F\_3\_G005A**); 3) 500 animali posti sotto sequestro nell'allevamento (**O4\_500\_G199A**), il codice da trasmettere nel campo **actTakenCode** sarà: **A\$F\_3\_G005A\$O4\_500\_G199A**.

<sup>43</sup> Questa informazione può essere trasmessa dagli IIZZSS o dalla Regione. Nel caso in cui venga fornita da IZS è comunque oggetto di validazione da parte delle Regioni con possibilità di variazione. Se **origCountry** ≠ IT, gli unici valori ammessi per ACTION sono: **F** (con 5 campionamenti: - F5\_G005A) e **R**.

<sup>44</sup> Valori ammessi: **J037A** - Compliant, **J038A** - Non-compliant, **J029A** - Result not evaluated.

<sup>45</sup> Deve essere **evalInfo\_sampTkAsses**= J038A (non compliant) se **evalCode** = J003A (maggiore del limite) oppure se **evalCode** = J041A (detected) e **evalLimitType** = W012A (presence).

<sup>46</sup> Obbligatorio se **evalInfoSampTkAsses** = J038A (Non-compliant).

L'informazione può essere trasmessa dagli IIZZSS o dalla Regione. Nel caso in cui venga fornita dall'IZS è comunque oggetto di validazione da parte delle Regioni con possibilità di variazione. Se **origCountry** ≠ IT il campo **CONCLUSION** viene popolato dal Ministero della salute.

## Appendice 1: Combinazioni ammesse tra campi

**Tabella 1** - Combinazioni ammesse per Strategia di campionamento - Tipo piano di campionamento

B.03 - sampStrategy		B.IT.04 - TipCamp	
ST20A	Piano	M	Mirato
ST90A	Extrapiano	M	Mirato
ST30A	Sospetto	S A I U	A seguito di positività Clinico-anamnestico Isto-anatomo-patologico Macellazione speciale d'urgenza

**Tabella 2** - Combinazioni ammesse per punto di campionamento – Tipo punto di campionamento

B.07 - sampPoint	Descrizione punto di campionamento	C.02 - sampUnitType	Descrizione
MS.040.500	Centro di smielatura - Centro di conferimento e lavorazione di prodotti dell'apiario	G202A	Herd/flock
MS.040.710	Allevamento di animali (esclusa acquacoltura)	G204A	Batch
MS.040.710	Allevamento di animali (esclusa acquacoltura)	G199A	Animal
MS.040.710	Allevamento di animali (esclusa acquacoltura)	G202A	Herd/flock
MS.040.720	Acquacoltura	G202A	Herd/flock
MS.060.400	Distributore di latte crudo	G202A	Herd/flock
MS.B10.100	Ungulati domestici - Macelli -SH	G199A	Animal
MS.B10.100	Ungulati domestici - Macelli -SH	G200A	Slaughter batch
MS.B20.100	Pollame e di lagomorfi - Macello -SH	G199A	Animal
MS.B20.100	Pollame e di lagomorfi - Macello -SH	G200A	Slaughter batch
MS.B30.100	Selvaggina allevata - Macello-SH	G199A	Animal
MS.B30.100	Selvaggina allevata - Macello-SH	G200A	Slaughter batch
MS.B40.200	Selvaggina cacciata Centro di lavorazione selvaggina-GHE	G199A	Animal
MS.B80.500	Prodotti della pesca Impianto di trasformazione-PP	G202A	Herd/flock
MS.B80.600	Mercato ittico-WM	G202A	Herd/flock
MS.B90.400	Stabilimento di trasformazione latte e prodotti a base di latte	G204A	Batch
MS.BA0.100	Uova e ovoprodotti - Centro di imballaggio-EPC	G202A	Herd/flock
MS.BA0.300	Uova e ovoprodotti Stabilimento di trasformazione -PP	G202A	Herd/flock
MS.A50.100	Centro di raccolta selvaggina cacciata	G199A	Animal
MS.A50.100	Centro di raccolta selvaggina cacciata	G200A	Slaughter batch

**Tabella 3** - Combinazioni consentite: specie/prodotto - modalità di allevamento

Specie/prodotti	Modalità di allevamento
Per tutte le specie tranne Volatili da cortile e Acquacoltura	Ma13 - Transumante
	Ma02 - All'aperto o estensivo
	Ma11 - Stabulato o intensivo
	Ma05 - Brado e semibrado
Volatili da cortile	Ma01 - All'aperto
	Ma08 - In gabbia
	Ma09 - Rurale
	Ma03 - A terra
Uova	Ma01 - All'aperto
	Ma03 - A terra
	Ma08 - In gabbia
Acquacoltura	Ma04 - Bacini
	Ma06 - Canali
	Ma07 - Gabbie/acque recintate
	Ma12 - Stagni
	Ma14 - Vasche
	Ma10 - Sistemi a ricircolo

**Tabella 4** - Combinazioni raccomandate paramCode – paramType

La tabella che segue non può essere esaustiva, dato che ogni laboratorio conosce lo scopo del metodo analitico utilizzato e quali metaboliti contribuiscono alla definizione del residuo multi-componente.

Full marker definition	K.02 paramCode	Substance	K.01 paramType
Cyfluthrin (sum of isomers)	RF-0108-001-PPP	Cyfluthrin (Cyfluthrin including other mixtures of constituent isomers (sum of isomers))	P005A/P004A
	RF-0108-003-PPP	Cyfluthrin	P002A
	RF-0108-002-PPP	Cyfluthrin, beta-	P002A
Cyhalothrin (sum of isomers)	RF-0584-001-PPP	Cyhalothrin	P005A
Cypermethrin (sum of isomers)	RF-0112-001-PPP	Cypermethrin (Cypermethrin including other mixtures of constituent isomers (sum of isomers))	P005A
Flumethrin (sum of trans-Z-isomers)	RF-0705-001-PPP	Flumethrin	P005A
Neomycin B (Neomycin (including framycetin))	RF-00000683-VET	Framycetin (Neomycin B)	P005A
Permethrin (sum of isomers)	RF-0842-001-PPP	Permethrin (sum of isomers)	P005A

Ministero della Salute  
Direzione Generale per l'Igiene e la Sicurezza degli Alimenti e la Nutrizione

Full marker definition	K.02 paramCode	Substance	K.01 paramType
Sulfonamides (all substances belonging to the sulfonamide group)	RF-00000690-VET	Sulfonamides	P005A/ P004A
	RF-00000646-VET	Succinylsulfathiazol	P002A
	RF-00000648-VET	Sulfacetamide	P002A
	RF-00000638-VET	Sulfachlorpyridazine	P002A
	RF-00000601-VET	Sulfadiazine	P002A
	RF-00000602-VET	Sulfadimethoxine	P002A
	RF-00000603-VET	Sulfadimidine	P002A
	RF-00000604-VET	Sulfadoxin	P002A
	RF-00000605-VET	Sulfaethoxypyridazin	P002A
	RF-00000606-VET	Sulfaguanidine	P002A
	RF-00000607-VET	Sulfalen	P002A
	RF-00000608-VET	Sulfamerazine	P002A
	RF-00000610-VET	Sulfameter	P002A
	RF-00000624-VET	Sulfamethizol	P002A
	RF-00000612-VET	Sulfamethoxazole	P002A
	RF-00000600-VET	Sulfamethoxypyridazine	P002A
	RF-00000615-VET	Sulfamoxol	P002A
	RF-00000617-VET	Sulfanilamide	P002A
	RF-00000649-VET	Sulfaphenazol	P002A
	RF-00000621-VET	Sulfapyrazol	P002A
	RF-00000622-VET	Sulfapyridin	P002A
	RF-0900-001-PPP	Sulfathiazole	P002A
	RF-00000679-VET	Sulfisoxazol	P002A
	RF-00000779-VET	Sulfabromomethazin	P002A
	RF-00000781-VET	Sulfamethazin (sulfadimidin)	P002A
	RF-00000647-VET	Sulfabenzamide	P002A
	RF-00000614-VET	Sulfamonomethoxine	P002A
	RF-00000611-VET	Sulfaquinoxaline	P002A
	RF-00000682-VET	Sulfatroxazol	P002A
	RF-00000681-VET	Sulfisomidin	P002A
Sum of albendazole sulphoxide, albendazole sulphone, and albendazole 2-amino sulphone, expressed as albendazole	RF-00004633-PAR ( <b>NEW CODE</b> )	Sum of albendazole sulphoxide, albendazole sulphone, and albendazole 2-amino sulphone, expressed as albendazole	P005A/ P004A
	RF-00000045-VET	Albendazol-2-aminosulfon	P002A
	RF-00000041-VET	Albendazolsulfon	P002A
	RF-00000040-VET	Albendazolsulfoxide	P002A
Sum of all residues retaining the betalactam structure expressed as desfuroylceftiofur	RF-00004634-PAR ( <b>NEW CODE</b> )	Sum of all residues retaining the betalactam structure expressed as desfuroylceftiofur	P005A/ P004A
	RF-00000629-VET	Ceftiofur	P002A
	RF-00002895-PAR	Desfuroylceftiofur	P002A
Sum of azaperone and azaperol	RF-00004511-PAR	Sum of azaperone and azaperol	P005A/ P004A
	RF-00000178-VET	Azaperone	P002A
	RF-00000166-VET	Azaperol	P002A
Sum of bacitracin A, bacitracin B, and bacitracin C	RF-00004635-PAR ( <b>NEW CODE</b> )	Sum of bacitracin A, bacitracin B, and bacitracin C	P005A
Sum of Chlortetracycline and its 4- epimer	RF-00004636-PAR ( <b>NEW CODE</b> )	Sum of chlortetracyclin and its 4-epimer	P005A/ P004A
	RF-00000575-VET	Chlortetracyclin	P002A
	RF-00000579-VET	Epi-Chlortetracycline	P002A
Sum of enrofloxacin and ciprofloxacin	RF-00004508-PAR	Sum of enrofloxacin and ciprofloxacin	P005A/P004A

Ministero della Salute  
Direzione Generale per l'Igiene e la Sicurezza degli Alimenti e la Nutrizione

Full marker definition	K.02 paramCode	Substance	K.01 paramType
	RF-00000551-VET	Enrofloxacin	P002A
	RF-00000695-VET	Ciprofloxacin	P002A
Sum of extractable residues which may be oxidised to oxfendazole sulphone	RF-00000046-VET	Oxfendazole sulfon	P005A
Sum of florfenicol and its metabolites measured as florfenicol-amine	RF-00004509-PAR	Sum of florfenicol and its metabolites measured as florfenicol-amine	P005A/ P004A
	RF-00000594-VET	Florfenicol amine	P002A
	RF-00000590-VET	Florfenicol	P002A
Sum of flubendazole and (2-amino 1H-benzimidazol-5-yl) (4fluorophenyl) methanone	RF-00002905-PAR	Flubendazole + (2-amino-1H-benzimidazol-5-yl) (4-fluorophenyl)-methanon	P005A/ P004A
	RF-00000007-VET[1]	Flubendazole	P002A
	RF-00002865-PAR	2-Aminoflubendazole	P002A
Sum of gentamicin C1, gentamicin C1a, gentamicin C2 and gentamicin C2a	RF-00000536-VET	Sum of gentamicin C1, gentamicin C1a, gentamicin C2 and gentamicin C2a	P005A/ P004A
	RF-00002908-PAR	Gentamicin C1	P002A
	RF-00002909-PAR	Gentamicin C1a	P002A
	RF-00002910-PAR	Gentamicin C2	P002A
	RF-00002911-PAR	Gentamicin C2a	P002A
Sum of malachite green and leucomalachite green	RF-00004513-PAR	Sum of malachite green and leucomalachite green	P005A
	RF-00002919-PAR	Malachite Green	P002A
	RF-00001727-PAR	Leucomalachite Green	P002A
Sum of mebendazole methyl (5-(1-hydroxy, 1-phenyl) methyl-1H-benzimidazol-2-yl) carbamate and (2-amino-1H-benzimidazol-5-yl) phenylmethanone, expressed as mebendazole equivalents	RF-00004637-PAR ( <b>NEW CODE</b> )	Sum of mebendazole methyl (5-(1- hydroxy, 1- phenyl) methyl-1H- benzimidazol- 2-yl) carbamate and (2-amino-1H- benzimidazol-5-yl) phenylmethanone, expressed as mebendazole equivalents	P005A/ P004A
	RF-00004638-PAR ( <b>NEW CODE</b> )	Mebendazole methyl (5-(1-hydroxy, 1-phenyl) methyl-1H-benzimidazol-2-yl) carbamate	P002A
	RF-00004639-PAR ( <b>NEW CODE</b> )	(2-amino-1H-benzimidazol-5-yl) phenylmethanone	P002A
	RF-00002915-PAR	5-Hydroxymebendazole	P002A
	RF-00000049-VET	Aminomebendazole	P002A
	RF-00002867-PAR	8-alpha-hydroxymutilin	P005A
Sum of metabolites that may be hydrolysed to 8-α-hydroxymutilin	RF-00000582-VET[2]	Tiamulin	P005A
	RF-00004640-PAR ( <b>NEW CODE</b> )	Sum of Oxytetracycline and its 4-epimer	P005A/ P004A
	RF-00000543-VET	Oxytetracycline	P002A
Sum of spiramycin and neospiramycin	RF-00000586-VET	Epi-Oxytetracycline	P002A
	RF-00004641-PAR ( <b>NEW CODE</b> )	Sum of spiramycin and neospiramycin	P005A/ P004A
	RF-00000642-VET	Spiramycin	P002A

Ministero della Salute  
Direzione Generale per l'Igiene e la Sicurezza degli Alimenti e la Nutrizione

Full marker definition	K.02 paramCode	Substance	K.01 paramType
Sum of Tetracycline and its 4- epimer	RF-00000643-VET	Spiramycin 1	P002A/P005A[3]
	RF-00000532-VET	Neospiramycin	P002A
	RF-00004642-PAR ( <b>NEW CODE</b> )	Sum of tetracycline and its 4-epimer	P005A/ P004A
	RF-00000670-VET	Tetracycline	P002A
Sum of the extractable residues that may be oxidised to ketotriclabendazole	RF-00000588-VET	Epi-Tetracycline	P002A
	RF-00002917-PAR	Ketotriclabendazole (Sum of extractable residues which may be oxidised to ketotriclabendazole)	P005A/ P004A
	RF-00000043-VET	Triclabendazole	P002A
	RF-00000037-VET	Triclabenzolsulfoxide	P002A
	RF-00000038-VET	Triclabendazolsulfon	P002A
Sum of thiabendazole and 5-hydroxythiabendazol	RF-00002917-PAR	Ketotriclabendazole	P002A
	RF-0416-002-PPP	Thiabendazole (sum of thiabendazole and 5-hydroxythiabendazole)	P005A/ P004A
	RF-0416-001-PPP	Thiabendazole	P002A
Sum of tylvalosin and 3-O- acetyltylosin	RF-0926-001-PPP	Thiabendazole, 5-Hydroxy-	P002A
	RF-00004510-PAR	Sum of tylvalosin and 3-O-acetyltylosin	P005A/ P004A
	RF-00002955-PAR	Tylvalosin	P002A
Sum of cristal violet and leucocristal violet	RF-00000571-VET	3-O-Acetyltylosin	P002A
	RF-00004512-PAR	Sum of cristal violet and leucocristal violet	P005A/ P004A
Fenvalerate (sum of RR, SS, RS and SR isomers)	RF-00002888-PAR	Cristal Violet	P002A
	RF-00002889-PAR	Cristal Violet-Leuco	P002A
Fenvalerate (sum of RR, SS, RS and SR isomers)	RF-0690-006-PPP	Fenvalerate (any ratio of constituent isomers (RR, SS, RS & SR) including esfenvalerate)	P005A/ P004A
	RF-00003017-PAR	Fenvalerate (sum of fenvalerate (any ratio of constituent isomers including esfenvalerate) and CPIA (chlorophenyl isovaleric acid), expressed as fenvalerate)	P005A/ P004A
Singoli congeneri di diossine e PCB			P002A
Somma di diossine, diossine e PCB dl, somma di PCB ndl			P005A
Somma di PCB dl			P004A

**Tabella 5** - Combinazioni ammesse evalCode – sampTkAssess

EVALCODE	SAMPTKASSESS
J041A - detected	J038A - non-compliant
J029A – Result not evaluated	
J003A - above maximum permissible quantities	
J031A - compliant due to measurement uncertainty	J037A – compliant
J002A - less than or equal to maximum permissible quantities	
J040A - not detected	
J029A – Result not evaluated	
J029A – Result not evaluated	J029A – Result not evaluated *

**Se** la valutazione del campione (sampTkAsses) è “Non Conforme” (J038A – non compliant)

**allora** almeno per un parametro analitico la valutazione deve essere “detected” (J041A) oppure “above maximum permissible quantities” (J003A).

**Se** la valutazione del campione (sampTkAsses) è “Conforme” (J037A –compliant)

**allora** la valutazione di tutti i parametri deve essere “compliant due to measurement uncertainty” (J031A) oppure “less than or equal to maximum permissible quantities” (J002A) oppure “not detected” (J040A) oppure “Result not evaluated” (J029A) oppure una combinazione di queste.

\*Il codice J029A per evalCode e sampTkAssess è consentito solo per le seguenti combinazioni:

Analita	paramCode	Matrice	Codice MTX
Piombo	RF-00000174-CHE	Muscolo di coniglio	A01RQ
Cadmio	RF-00000150-CHE	Muscolo di coniglio	A01RQ
Cadmio	RF-00000150-CHE	Latte (vaccino)	A02LV
Cadmio	RF-00000150-CHE	Miele	A033J
Piombo	RF-00000174-CHE	Muscolo di cinghiale	A01SH
Cadmio	RF-00000150-CHE	Muscolo di cinghiale	A01SH



## Appendice 2: Tracciati XML

I tracciati che seguono sono stati formattati con indentazioni per renderne più chiara la lettura. Insieme allo schema XML è fornito il relativo schema XSD.

### 3.5 Controlli, validazione e invio file

I file in fase di acquisizione dal Ministero della Salute verranno scartati nel caso non risultino conformi allo schema XSD (par. **Errore. L'origine riferimento non è stata trovata. Errore. L'origine riferimento non è stata trovata.**); è consigliabile, quindi, effettuare una validazione preliminare prima di procedere con l'invio. Tale verifica può essere effettuata tramite un validatore che permette di controllare che un documento xml, generato in base a uno schema, sia ben formato o valido.

Inoltre, anche se i file sono ben formattati e validi, potranno essere generati scarti, con specifiche causali di errore, nei successivi controlli di coerenza.

**Se sarà generato almeno uno scarto rispetto ai dati inviati verrà scartato l'intero file.**

I controlli:

- ✓ verificano la corrispondenza dei dati trasmessi con le anagrafiche di riferimento;
- ✓ verificano l'eventuale esistenza di chiavi duplicate.

La trasmissione è univocamente individuata dai seguenti campi, che costituiscono la chiave logica:

- regCode
- flType (sempre valorizzato con "PNR")
- sampId
- paramCode (solo per campioni idonei)

Tutte le analisi relative a un campione devono essere inviate nello stesso file in un'unica soluzione senza suddividerle in invii successivi.

Invii consecutivi di dati (file) con la stessa chiave logica o di dati con stessa chiave all'interno dello stesso file con tipo operazione inserimento (opType = "I") saranno scartati se la chiave logica è già presente.

Per **cancellare** un record, è sufficiente inviare la stessa chiave del record (e i campi obbligatori previsti dallo schema XSD) valorizzando il campo opType = "C".

Per **modificare** un record, è necessario:

- inviare la stessa chiave del record (e i campi obbligatori previsti dallo schema XSD) valorizzando il campo opType = "C"
- inviare la stessa chiave del record (e i campi obbligatori previsti dallo schema XSD) valorizzando il campo opType = "I"



## 3.6 Esempi di inserimento/cancellazione dei dati.

### 3.6.1 Esempio di trasmissione 1:

```
<?xml version="1.0"?>
<dataroot xmlns:xsi="http://www.w3.org/2001/XMLSchema-instance"
xsi:noNamespaceSchemaLocation="PNR.xsd">
  <sample>
    <regCode>010</regCode>
    <opType>I</opType>
    <flType>PNR</flType>
    <sampId>2018_IZSLER_00000287</sampId>
    .
    .
    .
    <analisiRisultato>
      <paramCode>RF-0108-001-PPP</paramCode>
      .
      .
      .
      <evalCode>J002A</evalCode>
      <actTakenCode>W</actTakenCode>
    </analisiRisultato>
  </sample>
  <sample>
    <regCode>010</regCode>
    <opType>C</opType>
    <flType>PNR</flType>
    <sampId>2018_IZSLER_00000287</sampId>
    .
    .
    .
    <analisiRisultato>
      <paramCode>RF-0108-001-PPP</paramCode>
      .
      .
      .
      <evalCode>J002A</evalCode>
      <actTakenCode>W</actTakenCode>
    </analisiRisultato>
  </sample>
</dataroot>
```

**Risultato:** In banca dati non viene memorizzato nessun record, in quanto l'ultima operazione sulla chiave è "C", cancellazione.  
Il primo record inserisce, il secondo record cancella.

### 3.6.2 Esempio di trasmissione 2:

```
<?xml version="1.0"?>
<dataroot xmlns:xsi="http://www.w3.org/2001/XMLSchema-instance"
xsi:noNamespaceSchemaLocation="PNR.xsd">
  <sample>
    <regCode>010</regCode>
    <opType>I</opType>
    <flType>PNR</flType>
    <sampId>2018_IZSLER_00000287</sampId>
    .
    .
    .
    <analisiRisultato>
      <paramCode>RF-0108-001-PPP</paramCode>
      .
      .
      .
      <evalCode>J002A</evalCode>
      <actTakenCode>W</actTakenCode>
    </analisiRisultato>
  </sample>
  <sample>
    <regCode>010</regCode>
    <opType>I</opType>
    <flType>PNR</flType>
    <sampId>2018_IZSLER_00000287</sampId>
    <paramCode>RF-0108-001-PPP</paramCode>
    .
    .
    .
    <evalCode>J002A</evalCode>
    <actTakenCode>W</actTakenCode>
  </sample>
  <sample>
    <regCode>010</regCode>
    <opType>I</opType>
    <flType>PNR</flType>
    <sampId>2018_IZSLER_00000287</sampId>
    .
    .
    .
    <analisiRisultato>
      <paramCode>RF-0108-001-PPP</paramCode>
      .
      .
      .
      <evalCode>J002A</evalCode>
      <actTakenCode>W</actTakenCode>
    </analisiRisultato>
  </sample>
</dataroot>
```

**Risultato:** In banca dati non viene memorizzato nessun record. La fornitura sarà scartata perché nello stesso file sono presenti più record con la stessa chiave logica ed il tipo operazione uguale a "I".

### 3.6.3 Esempio di trasmissione 3:

```
<?xml version="1.0"?>
<dataroot xmlns:xsi="http://www.w3.org/2001/XMLSchema-instance"
xsi:noNamespaceSchemaLocation="PNR.xsd">
  <sample>
    <regCode>010</regCode>
    <opType>I</opType>
    <flType>PNR</flType>
    <sampId>2018_IZSLER_00000287</sampId>
    .
    .
    .
    <analisiRisultato>
      <paramCode>RF-0108-001-PPP</paramCode>
      .
      .
      .
      <evalCode>J002A</evalCode>
      <actTakenCode>W</actTakenCode>
    </analisiRisultato>
  </sample>
  <sample>
    <regCode>010</regCode>
    <opType>C</opType>
    <flType>PNR</flType>
    <sampId>2018_IZSLER_00000287</sampId>
    <paramCode>RF-0108-001-PPP</paramCode>
    .
    .
    .
    <evalCode>J002A</evalCode>
    <actTakenCode>W</actTakenCode>
  </sample>
  <sample>
    <regCode>010</regCode>
    <opType>I</opType>
    <flType>PNR</flType>
    <sampId>2018_IZSLER_00000287</sampId>
    .
    .
    .
    <analisiRisultato>
      <paramCode>RF-0108-001-PPP</paramCode>
      .
      .
      .
      <evalCode>J002A</evalCode>
      <actTakenCode>W</actTakenCode>
    </analisiRisultato>
  </sample>
</dataroot>
```

**Risultato:** In banca dati non viene memorizzato nessun record. La fornitura sarà scartata perché nello stesso file sono presenti più record con la stessa chiave logica ed il tipo operazione uguale a "I".

#### 3.6.4 Esempio di trasmissione 4:

```
<?xml version="1.0"?>
<dataroot xmlns:xsi="http://www.w3.org/2001/XMLSchema-instance"
xsi:noNamespaceSchemaLocation="PNR.xsd">
  <sample>
    <regCode>010</regCode>
    <opType>C</opType>
    <flType>PNR</flType>
    <sampId>2018_IZSLER_00000287</sampId>
    .
    .
    .
    <analisiRisultato>
      <paramCode>RF-0108-001-PPP</paramCode>
      .
      .
      .
      <evalCode>J002A</evalCode>
      <actTakenCode>W</actTakenCode>
    </analisiRisultato>
  </sample>
  <sample>
    <regCode>010</regCode>
    <opType>I</opType>
    <flType>PNR</flType>
    <sampId>2018_IZSLER_00000287</sampId>
    .
    .
    .
    <analisiRisultato>
      <paramCode>RF-0108-001-PPP</paramCode>
      .
      .
      .
      <evalCode>J002A</evalCode>
      <actTakenCode>W</actTakenCode>
    </analisiRisultato>
  </sample>
</dataroot>
```

#### Risultato:

**Se la chiave logica è già presente in banca dati** il valore memorizzato di "resInfo\_com" nella banca dati, per questa chiave, sarà "Commento2". Il primo record cancella la chiave già presente in banca dati ed il secondo inserisce un nuovo record per la stessa chiave logica.

**Se la chiave logica non è già presente in banca dati** la fornitura viene scartata perché si sta cercando di cancellare una chiave non presente in banca dati.

### 3.6.5 Esempio di campione non idoneo:

```
<?xml version="1.0" encoding="UTF-8"?>
<dataroot xmlns:xsi="http://www.w3.org/2001/XMLSchema-instance">
  <sample>
    <numVerbale>123456</numVerbale>
    <regCode>010</regCode>
    <flType>PNR</flType>
    <opType>I</opType>
    ...
    ...
    ...
    <sampDate>1967-08-13</sampDate>
    ...
    ...
    ...
    <sampIdoneo>N</sampIdoneo>
    <motivoNonIdoneo>Ni01</motivoNonIdoneo>
    ...
    ...
    ...
  </sample>
</dataroot>
```

## 3.7 Codici di errore

L'elenco completo dei possibili codici di errore è *disponibile al seguente link:*  
<https://zenodo.org/communities/pnr2/>

*I file da inviare al Ministero della Salute devono essere in formato XML versione 1.0.  
Lo schema XSD del flusso è reso.*