**INTRODUCTION AUX MÉTHODES STATISTIQUES EN BIOLOGIE – ÉVALUATION**

Avec les données des **Virginica (“virginica.csv”)** et **Versicolor (“versicolor.csv”)** :

1. Sélectionnez la colonne Petal.Length pour Virginica et Versicolor et stockez les données dans des variables. **Ecrivez la commande pour faire cette opération**:
2. **Ecrivez la commande pour créer un histogramme de Petal.Length pour Virginica et Versicolor** :
3. **Ecrivez la commande pour créer une boîte à moustaches (boxplot) qui compare Virginica et Versicolor** :
4. **Remplissez le tableau ci-dessous avec les valeurs pour :**

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
|  | **Virginica – Petal.Length** | **Versicolor – Petal.Length** |
| **Moyenne** |  |  |
| **Médiane** |  |  |
| **Écart-Type**  **(Standard Deviation)** |  |  |
| **Variance** |  |  |

1. **Les données sont-elles normales** ?

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
|  | **Virginica – Petal.Length** | **Versicolor – Petal.Length** |
| **Nom du test statistique utilisé** |  | |
| **P-Value** |  |  |
| **Interprétation de la normalité des données** |  |  |

1. **Comparez les moyennes de Petal.Length entre Virginica et Versicolor.**

**Nom du test :**

**P – value :**

**Est-que les moyennes sont significativement différentes** ?